

AXELIOS

Roche

AXELIOS 1 Sequencing Platform

SBX (Sequencing by Expansion) : 次世代シーケンシングの新しいアプローチ

AXELIOS 1は、Sequencing by expansion (SBX) テクノロジーを採用した最新のプラットフォームです。従来のナノポアシーケンシングは塩基間距離が近くノイズが生じやすい課題がありましたが、SBXは生化学的変換によりDNA配列を代理高分子「エクスパンドマー」にエンコードし、元のDNAの50倍に拡張することで高いシグナルノイズ比を実現し、高精度なシーケンシングを実現します。本セミナーでは技術紹介とともにアプリケーション事例をご紹介します。

開催日時：2026年 11月 6日 (金) 13:00-14:00

開催形式：ハイブリッド webセミナー (Zoom)

オンサイト会場：信濃町キャンパス 総合医科学研究棟3階 会議室3

演者：吉崎 史子 (ロシュ・ダイアグノスティクス株式会社マーケティング本部)



柔軟性：

最適化されたワークフローとよりミドルレンジのリード長により、ショートリードにとらわれない柔軟な研究を実現

スピード：

迅速なシーケンシング反応とリアルタイムに近いデータ処理で、結果取得までの時間を大幅に短縮

拡張性：

出力調整が可能でこまわりの利く設計により、パイロットスタディから大規模プロジェクトまでシームレスに展開可能

正確性：

スピードを損なうことなく、幅広い手法やアプリケーションにおいて必要とされるデータ精度を実現

ワークフロー	アウトプット
SBX-Duplex <small>(正確性を重視するアプリケーション)</small>	>1.8Tb (4時間のシーケンシングで得られたコンコーダントデュプレックス塩基数。インサート長の中央値 約250bp)
SBX-Simplex <small>(リードカウント/リード長を重視するアプリケーション)</small>	Short (平均リード長 約175bp) : >40Bリード (4時間のシーケンシング) Longer (平均リード長 約500bp) : >10Bリード (4時間のシーケンシング)

下記のURLもしくは右記QRコードから申し込みフォームにアクセスしてください。

《申し込み》 <https://forms.gle/ybUwuknwkZ4BCExXA>

申し込み締切：2026年11月5日 (木) 17:00

予約フォームでお申込みの方にURLを別途お知らせします。

電話での受け付けはしていません。

記入内容は協力企業と情報共有させていただきます。

後日オンデマンド配信をご希望の方もフォームでお申込みください。

協力企業からの連絡のみを希望される場合もフォームからご連絡ください。



協力企業
 ロシュ・ダイアグノスティクス株式会社
 担当：山中智樹
 E-mail : tomoki.yamanaka@roche.com

主催・連絡先

慶應義塾大学 医学部

医科学研究連携推進センター (PIRMS)

研究共創基盤部門 先端研究基盤センター 藤原

chuokiki-office-group@keio.jp

<https://sites.google.com/keio.jp/corr-cf/home>

<https://forms.gle/ybUwuknwkZ4BCExXA>



<https://forms.gle/ybUwuknwkZ4BCExXA>

有志の大学共同利用施設がゆるやかに連携して活動しています。学部・大学・機関の壁を越えてふるってご参加ください。