

慶應義塾大学からのお知らせです

革新的空間解析テクノロジー

Trekker/Seeker 紹介セミナー

■開催日時

2025年 **10月7日(火) 17:00~18:00**

■開催形式

ハイブリッド Webセミナー(Zoom)
オンサイト会場 信濃町キャンパス総合医科学研究棟会議室4

■演者

タカラバイオ株式会社：浅井 雄一郎（遺伝子解析センター）

■申し込み方法

下記予約フォームもしくは右QRコードよりお申込みください。

<https://forms.gle/ZZeKkn2zCyPha1x77>

[https://forms.gle/Z](https://forms.gle/ZZeKkn2zCyPha1x77)



ZZeKkn2zCyPha1x77

申し込み締切 2025/10/6 (月) 17:00

予約フォームでお申込みの方にURLを別途お知らせします。電話での受け付けはしていません。

記入内容は協力企業と情報共有させていただきます。

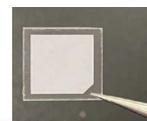
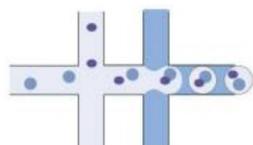
後日オンデマンド配信をご希望の方もフォームでお申込みください。

協力企業からの連絡のみを希望される場合もフォームからご連絡ください。

Single-nuclei RNA-seq
Single-nuclei ATAC-seq

Spatial Transcriptomics

2つの技術を1つに！



- ✓ シングルセルデータをそのまま空間情報へ！
- ✓ 高額な機器の導入が不要！
- ✓ 受託サービスでの対応も可能！

■セミナー内容

昨今、注目されている空間トランスクリプトーム解析は、従来のシングルセルRNA-Seqデータと比べると「細胞当たりの検出遺伝子数が少ない、セルセグメンテーションに頼らざるを得ない、ATAC-Seqやレパトアと組み合わせて解析できない」など、シングルセルRNA-Seqとのギャップを感じることはないでしょうか？

シングルセルデータを**そのまま空間情報にコンバートする技術Trekker**の基本原則や解析例などについてご紹介させていただきます。また、同じく**空間解析用製品であるSeeker**についてもご紹介させていただきます。

■お問い合わせ先

【学内問い合わせ先】

慶應義塾大学医学部 共同利用研究室

中央機器管理部門 担当: 藤原

chuokiki-office-group@keio.jp

<https://sites.google.com/keio.jp/corr-cf/>

【受託サービスについて】

タカラバイオ株式会社

芦田 義裕

ashiday@takara-bio.co.jp

【製品について】

バイオストリーム株式会社

福島 大和

yamato.fukushima@biostream.co.jp