

遺伝子発現プロファイル解釈ツール (QIAGEN IPA) ハンズオンセミナー

信州大学基盤研究支援センター 遺伝子実験支援部門

演者：株式会社キアゲン 國田 竜太氏

日時：2023年11月30日（木） 13:30 ～ 17:00

会場：松本キャンパス 医学部第二講義室

内容

技術セミナーとして、QIAGEN社より担当者を招待し、遺伝子発現プロファイル等のオミックスデータの解釈ツール「QIAGEN Ingenuity Pathway Analysis (IPA)」の実践的なハンズオンセミナーを開催いたします。遺伝子発現の解釈においては、質の高い知識ベースや過去のオミックス研究の活用が不可欠です。このセミナーでは、遺伝子発現変動データの効果的な解釈方法を実際に体験し、データ価値を最大限に高めていただく方法を学んでいただきます。

1. 遺伝子発現プロファイル解釈ツール (IPA) のご紹介

- ・ Gene Ontology (GO) 解析の原理
- ・ QIAGEN IPA の基礎と特徴

2. IPAの使用方法の実践 (ハンズオン)

- ・ 解析方法の説明と、IPA を用いた仮説構築法の実践

*PCをお持ちください

学内専用参加申込みフォーム

<https://forms.gle/m2ybmeE4kgqHGEkc9>

申込〆切: 11月27日（月）



お問合せ

信州大学基盤研究支援センター 遺伝子実験支援部門（松本）

TEL: 0263-37-3109

URL: <https://www.shinshu-u.ac.jp/institution/kiban/generc/>

E-mail: generes-m@shinshu-u.ac.jp